

[Ingénieur d'études en biologie moléculaire]

Profil de poste

Emploi-type A2A42 - Ingénieur-e en expérimentation et instrumentation biologiques

BAP BAP A : Sciences du vivant, de la terre et de l'environnement

Missions Sous la supervision de la responsable de la plateforme Transcriptomique et Génomique de Marseille-Luminy, l'IE aura pour mission principale de prendre en charge les prestations de séquençage haut débit (séquenceur NS500 & NS2000) et de single-cell (avec la technologie 10X de Genomix). Il devra également prendre en charge le processus « Prestation » dans la démarche qualité. Dans ce cadre l'IE devra s'adapter aux conditions de travail sur plate-forme labélisée IBiSA et certifiée ISO9001 NFX50-900.

Activités principales

- Réaliser les prestations déposées sur la plateforme
- Interagir avec les divers collaborateurs pour l'avancée des différents projets
- Générer des protocoles de manipulation validés
- Assurer le suivi et la traçabilité des outils et techniques utilisés
- Interpréter et discuter des résultats avec les membres de l'équipe
- Rédiger des rapports et des présentations pour les clients et la responsable de la plateforme
- Diffuser et valoriser les réalisations technologiques de la plateforme
- Faire de la veille scientifique

Activités associées

- Participer à la démarche qualité.

Connaissances

- Connaissance générale en séquençage avec la technologie Illumina (indispensable)
- Connaissance générale des approches de cellules et noyaux uniques avec la technologie 10X
- Connaissance générale de la démarche du management de la qualité (norme ISO9001 NFX50-900)
- Connaissance du travail sur plateforme (souhaitable)
- Connaissances de base en bioinformatique pour l'analyse des données (souhaitable)

Savoir-faire

- Maîtriser les techniques standards de biologie moléculaire
- Maîtriser la fabrication de bibliothèques RNAseq, ChiPseq.
- Maîtriser les techniques de séquençage haut débit sur NS500, NS2000
- Mise en forme et présentation de résultats
- Bon niveau d'anglais (B2 ou C1)

Aptitudes

- Organisé et rigoureux
- Polyvalent
- Autonome, dynamique
- Capacité à travailler sur différents projets
- Capacité à assimiler la littérature scientifique (en anglais) liée aux thématiques de recherche et aux méthodes appliquées
- Capacité à travailler en équipe
- Capacité à rédiger et communiquer les résultats des analyses produites

**Spécificité(s) /
Contrainte(s)
du poste**

- Travail sur plateforme (nécessitant de pouvoir s'adapter rapidement aux urgences).

**Expérience
souhaitée**

- Une expérience sur plate-forme (ou équivalent) de 3 ans minimum

**Diplôme(s)
souhaité(s)**

- Master
- Master Bioinformatique, Biochimie Structurale et Génomique serait un atout

Structure d'accueil

Code unité U1090

Intitulé TAGC (Theories and Approaches of Genomic Complexity) U1090 – Plateforme TGML (Transcriptomique et Génomique de Marseille-Luminy)

Responsable Christophe Chevillard (U1090) – Béatrice Loriod (TGML)

Composition Chercheurs de l'équipe, collaborateurs extérieurs, techniciens, ingénieurs (IE et IR) et étudiants (Master et doctorat)

Adresse 163 avenue de Luminy, 13009, Marseille

**Délégation
Régionale** PACA

Contrat

Type CDD

Durée 18 mois

Rémunération Selon la qualification et l'expérience du candidat (grilles de salaire Inserm)

**Date souhaitée de
prise de fonctions** 02/2025

Pour postuler

Adresser votre CV et une lettre de motivation à l'adresse suivante : beatrice.loriod@inserm.fr