

Réunion chercheurs du vendredi 8 Mars 2019

Présents

Pascal Rihet, Christine Brun, Nathalie Arquier, Sandrine Marquet, Beatrice Loriod, Salvatore Spicuglia, Benoit Ballester, Laurent Perrin, Jacques Van Helden, Christophe Chevillard.

Archives HAL/AMU et Open/sciences

Les articles scientifiques publiés par le TAGC doivent être placé dans HAL-AMU et associé à un fichier PDF de l'article.

Solution proposée par Lionel : dès que l'article est accepté :

- Si l'article est en Open Access rien à faire, la version PDF du journal sera placée dans HAL-AMU
- Si l'article n'est pas en Open Access envoyer à Lionel le préprint ou le postprint via le formulaire de l'intranet suivant :

<https://tagc.univ-amu.fr/en/declaration-publication-dun-article-scientifique-declaration-of-publication-of-a-scientific-article>

ANR, labélisation, équipements, postes

Cette année sont convoqués au deuxième tour de l'ANR: Salvatore Spicuglia, Christophe Chevillard.

Le TGML est labellisé AMU.

La demande d'équipement (Gridion) faite par le TGML n'a pas été retenue par IBISA.

La demande d'actions structurantes de Salvatore Spicuglia auprès de le canceropole a été retenue. Elle porte sur la création d'un plateau technique pour les expériences CRISPR. A cette plateforme pourrait être rattaché 1CDD IR.

Sur les demandes ARIANE seule la demande TPR2 liée au plateau culture cellulaire a été retenue. Elle est ouverte au concours interne et il y a un candidat. S'il y a recrutement la personne sera rattachée au TAGC.

Position du TAGC par rapport à l'IFB

Une estimation du coût des plateformes a été faite par l'ANR.

Chaque plateforme devra choisir une seule infrastructure de rattachement mais elle pourrait toujours être associée à une autre infrastructure

Le TAGC s'oriente vers :

- TGML : plateforme France Génomique
- TAGC : équipe associée à l'IFB et équipe associée à France Génomique

Enseignement

Six sujets de thèse ont été déposés par le laboratoire :

JURY 1 - BIOLOGIE CELLULAIRE : Développement, Végétale, Biotechnologie, Immunologie, Physiologie

- Caractérisation de gènes candidats impliqués dans les cardiomyopathies liées au dérèglement métabolique chez la drosophile - PERRIN Laurent

JURY2 - MICROBIOLOGIE - GENOMIQUE : Bioinformatique, Génomique, Biochimie structurale, Biochimie, Microbiologie

- Multi omic analyses to decipher the pathogenic process associated to chagas disease - CHEVILLARD Christophe
- Phenotype-specific predictive models of gene regulatory loci - NGUYEN Catherine
- Recherche et caractérisation fonctionnelle des variants génétiques responsables des formes simples et graves de paludisme - RIHET Pascal

JURY 4 - BIOLOGIE SANTE : Oncologie, Cardio-vasculaire, Santé Publique, Maladies infectieuses, Génétique et Bioinformatique

- Analyse en technologie « single cell » des cellules souches hématopoïétiques normales et leucémiques - COSTELLO Régis
- Etude des mécanismes des toxicités cardiaques induites par les traitements anticancéreux - LALEVEE Nathalie

Système d'information

Les demandes doivent être faites uniquement par ticket

Attention : il y a trop d'ordinateurs portables dans la nature. Les ordinateurs portables qui ont été remplacés (jouvence) doivent revenir au SI.